



IDA-TALLINNA KESKHAIGLA

## MIKROORGANISMIDE SAMASTAMINE MASS-SPEKTROMEETRIA MEETODIL (MALDI-ToF)

<b>Uuringud</b>	Aeroobsete, anaeroobsete mikroobide ning seente samastamine
<b>Mõiste</b>	Mass-spektromeetria põhineb mikroobi kultuuri valkude massi ja laengu suhte määramisel (mass-to-charge ratio). Protsessi tulemusena tekib uuritava mikroorganismi spektrogramm mõne minuti jooksul. Saadud spektrogrammi võrreldatakse andmebaasis olevate referentspektrogrammidega. Kasutusel on Maldi Byotyper (Bruker Daltonics, Saksamaa), mille andmebaasis on üle 2400 mikroobi liigi. Meetodit on võimalik rakendada gram-positiivsete ja gram-negatiivsete mikroobide, pärmseente ning hallitusseente samastamiseks. Meetodit võib kasutada ka positiivsete verekülvide tekitajate samastamiseks otse verekülvi pudelist, sel juhul varieerub protsessi tulemuslikkus vahemikus 5–85% sõltuvalt mikroobi liigist.
<b>Näidustused</b>	Tekitajate samastamine
<b>Teostamise aeg ja koht</b>	Tööpäeviti ja valveajal; mikrobioloogia labor, Pärnu mnt. 104
<b>Meetod</b>	Mass-spektromeetria
<b>Tõlgendus</b>	Saadud tulemuste usaldusväärsust tõlgendatakse logaritmilise skaala järgi (0-3). Lõpliku samastamise tulemuse kinnitamise eest vastutab mikrobioloog.
<b>HK hinnakirja koodid</b>	66522
<b>Kirjandus</b>	<ul style="list-style-type: none"><li>▪ Cornaglia G. et al. (2012). European Manual of Clinical Microbiology, 1-st edition: 31-35.</li><li>▪ Carbonnelle E. et al. (2011). Applications of MALDI-TOF mass spectrometry tools for bacterial identification in clinical microbiology laboratory. Clin Biochem 2011; 44:104.109</li></ul>
<b>Koostaja</b>	Marina Ivanova, Anastasia Pavelkovich